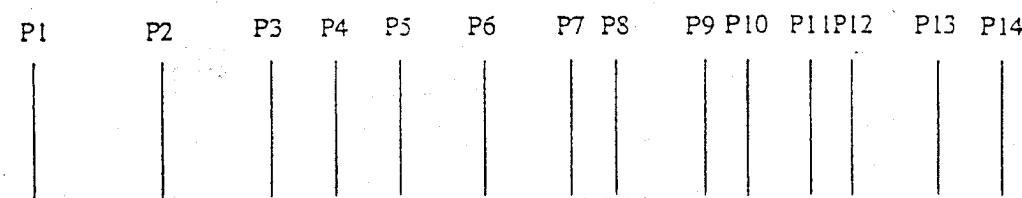
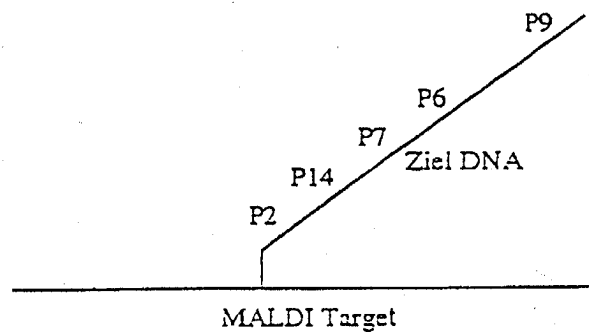


1/12

1) Massenverteilung der Proben



2) Hybridisierung



3) Massenverteilung hybridisierte Proben

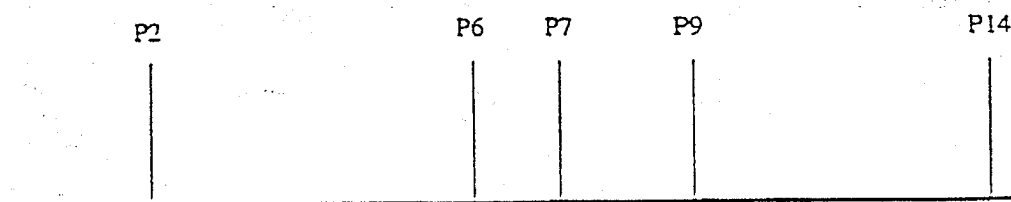


Fig. 1

2/12

Immobilisierung von DNA direkt auf dem MALDI-Target (Beispiel).

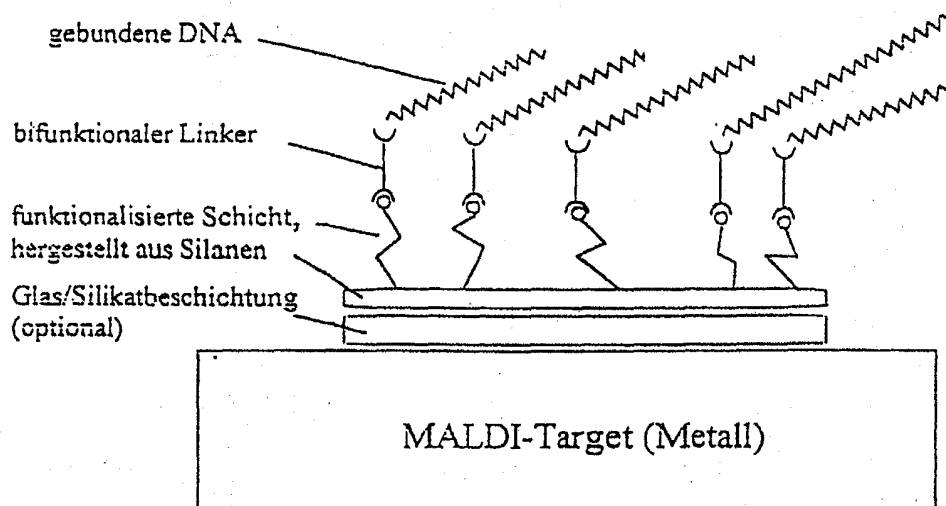


Fig. 2

3/12

N-terminales Massen/Charge Tagging

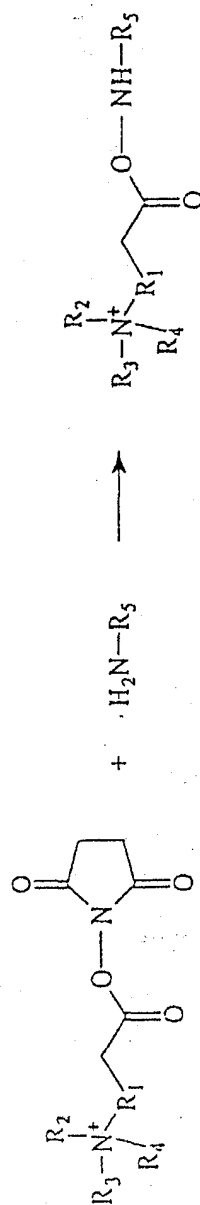
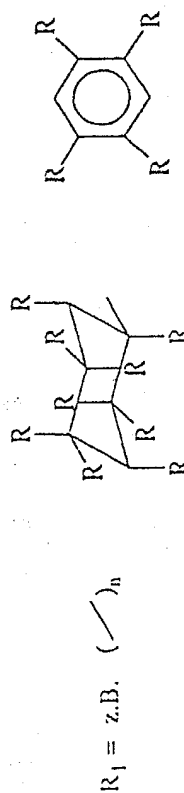


Fig. 3

R = z.B. alkyl, $-\text{CH}_3$, $-\text{C}_2\text{H}_5$, $-\text{C}_3\text{H}_7$, $-\text{C}_4\text{H}_9$ etc.



$\text{R}_{2,4} = \text{z.B. alkyl, substituirtes alkyl}$

$\text{R}_5 = \text{z.B. Nukleinsäure, PNA, Methylphosphonatnukleinsäure, Phosphorhoatnukleinsäure}$

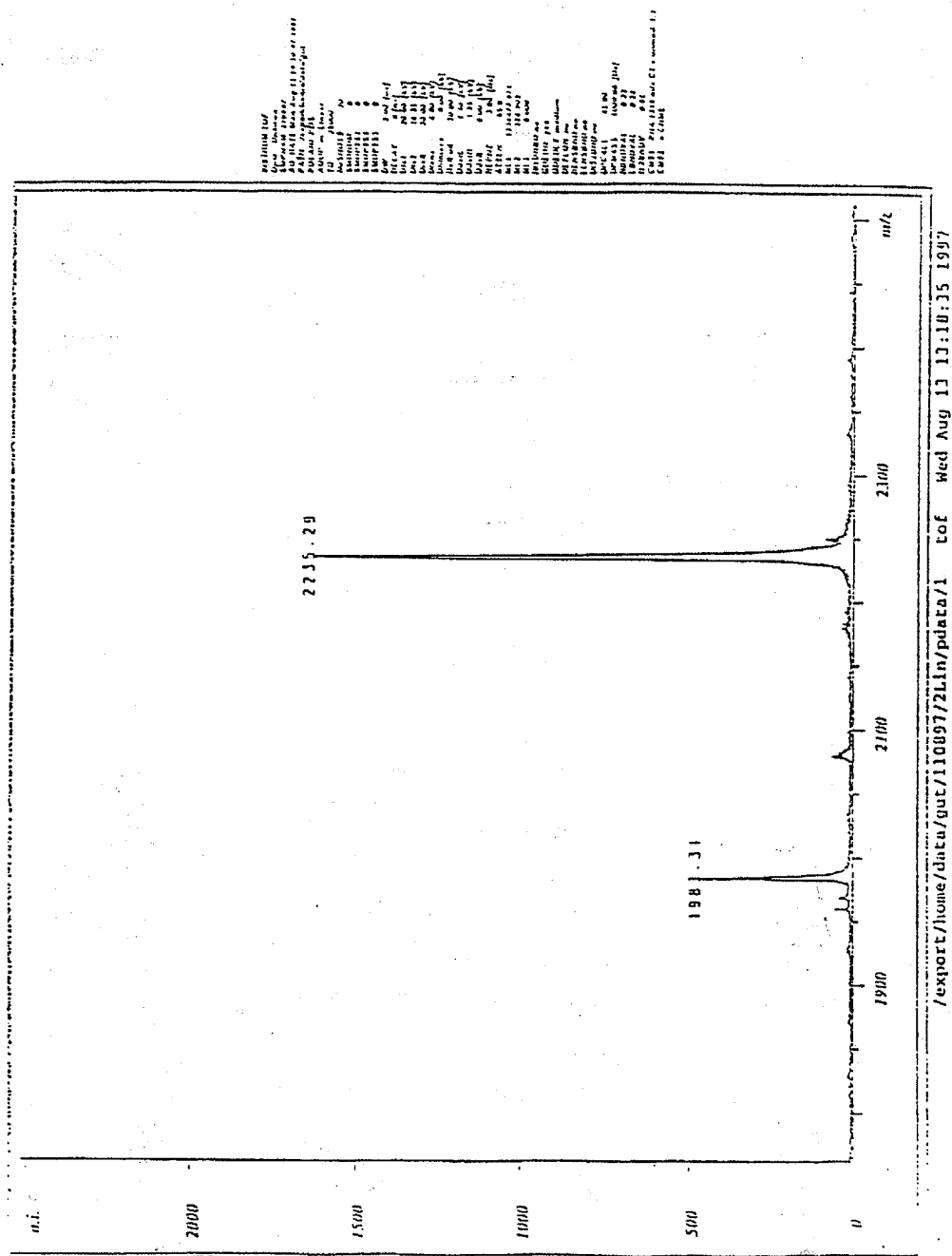
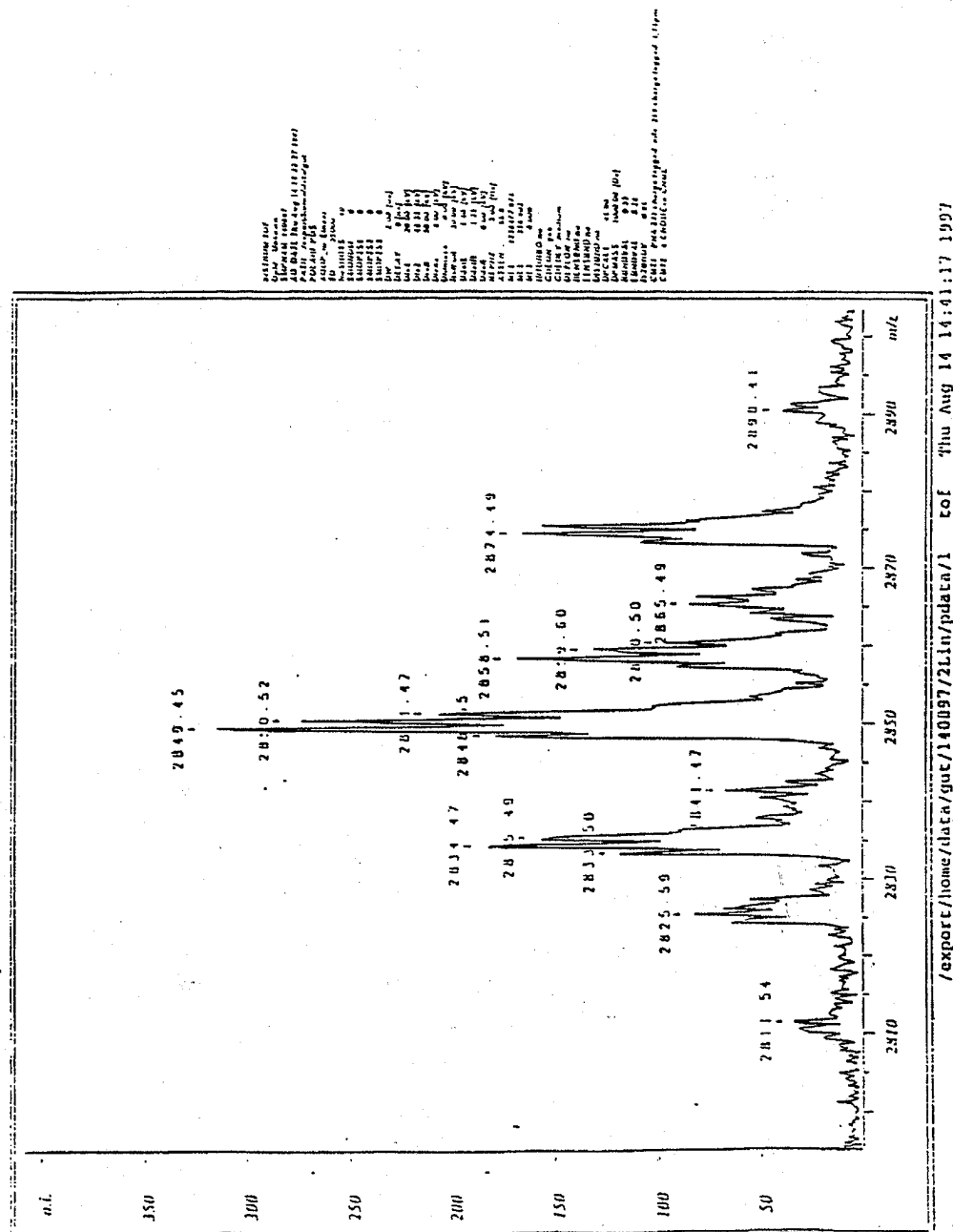


Fig. 4

5/12



/export/home/data/gut/140097/2Lin/pdata/1 of Thu Aug 14 14:41:17 1997

Fig. 5

6/12

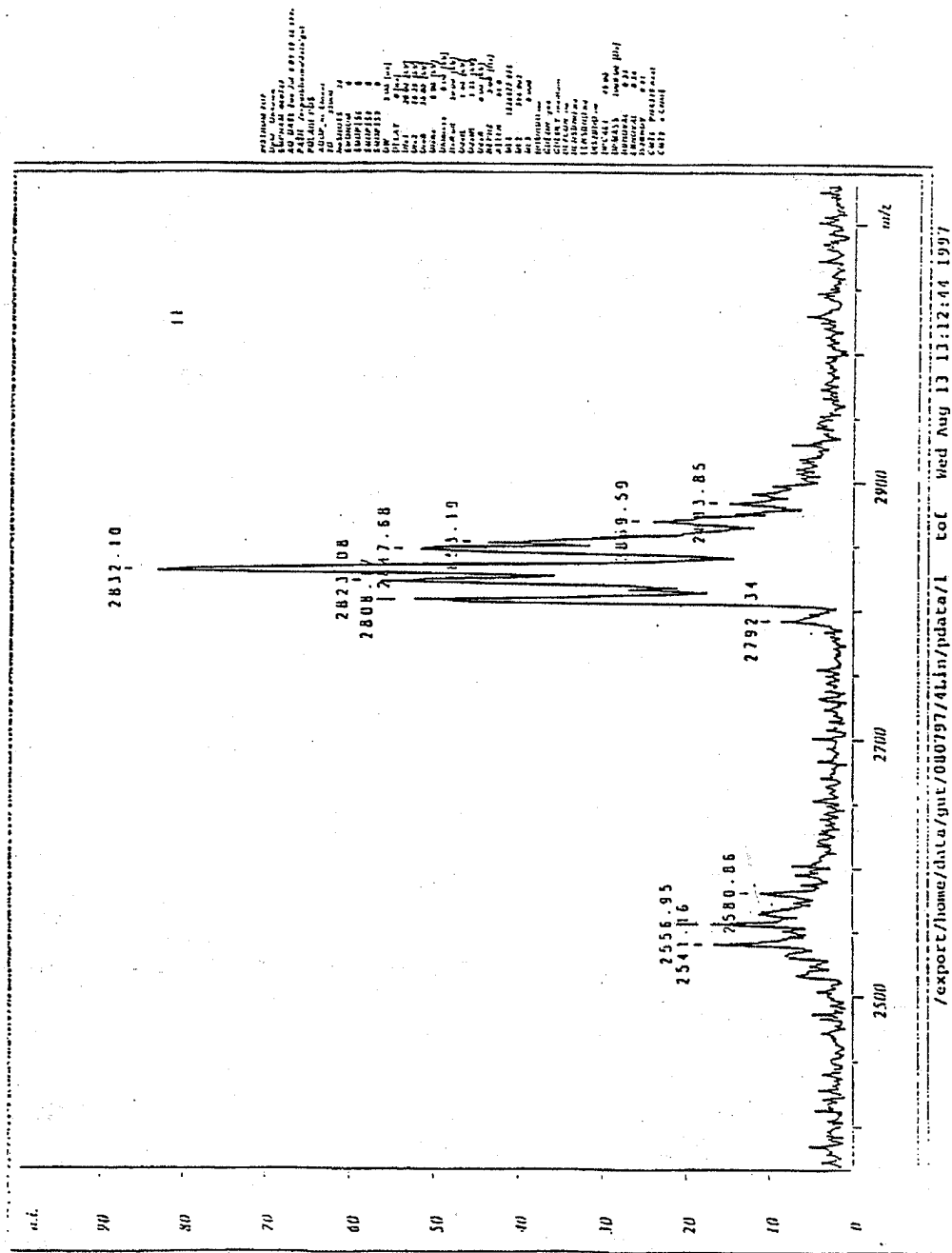
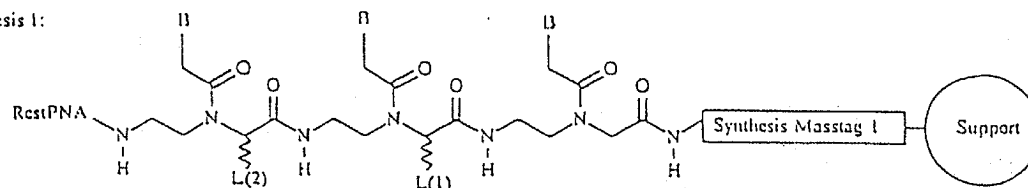


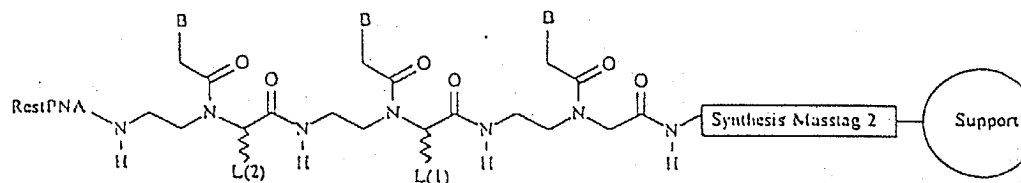
Fig. 6

7/12

Synthesis 1:



Synthesis 2:



...Synthesis n:



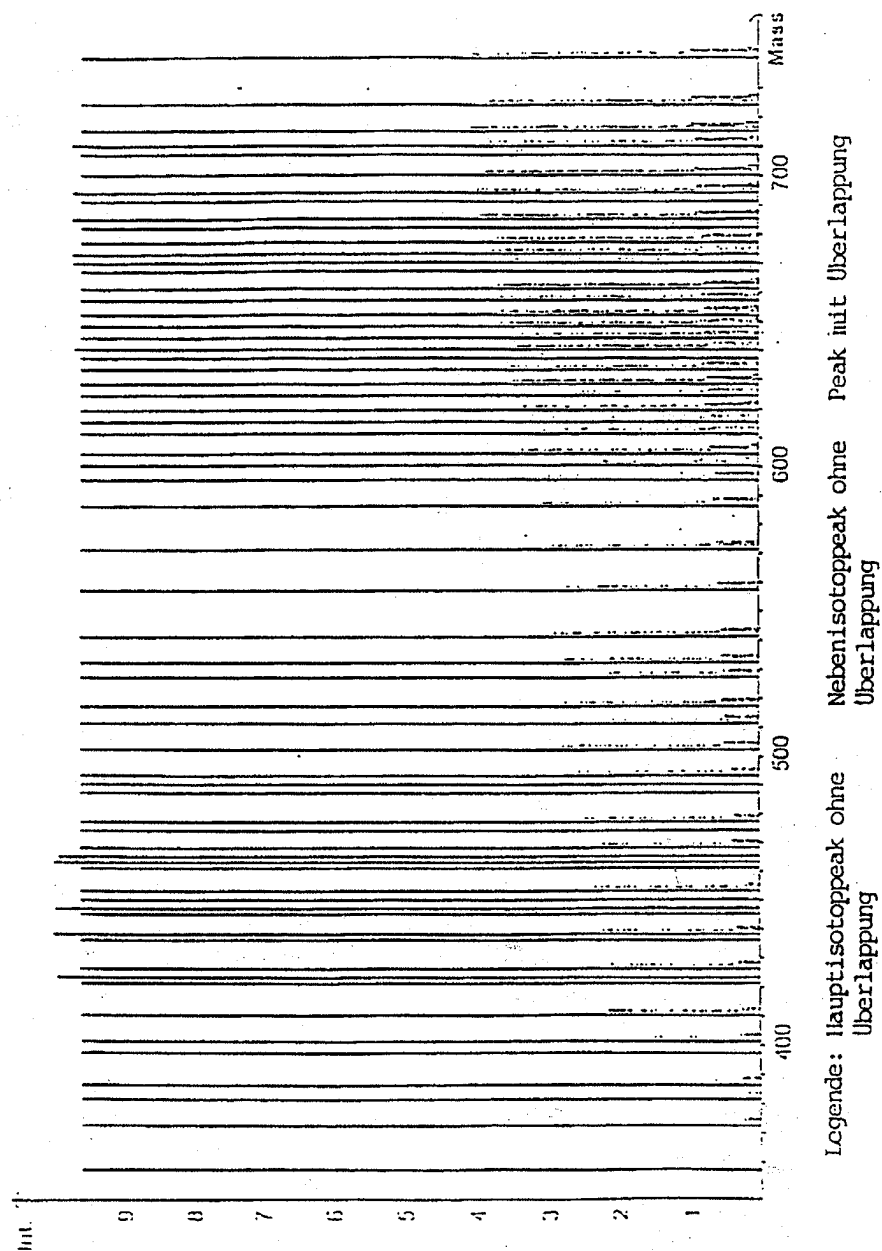
designte PNA-Bibliothek
mit Sequenz-spezifischen
Massen

B = Adenin, Cytosin, Guanin, Thymin oder Purin-oder Pyrimidinderivate oder deren Deazaanaloge

L(n) sind verschiedene Sets von Substituenten, spezifisch ausgewählt für jede Base, die in jedem Syntheseschritt eingesetzt wird, um minimierte Peak-Überlappungen in der MALDI-MS zu erhalten

Fig. 7

8/12



64 Massenpeaks, die einer spezifischen PNA-Sequenz entsprechen;
Massentagging

Fig. 8

9/12

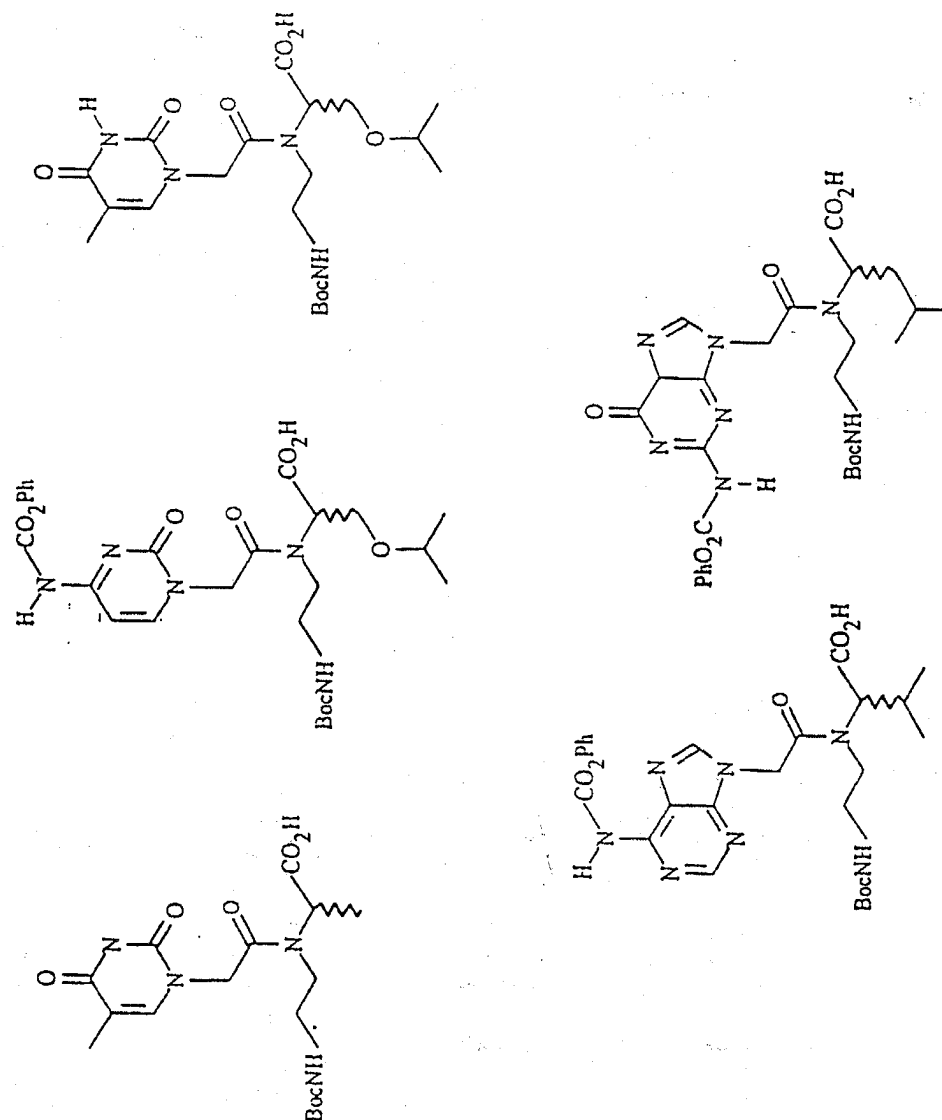


Fig. 9

10/12

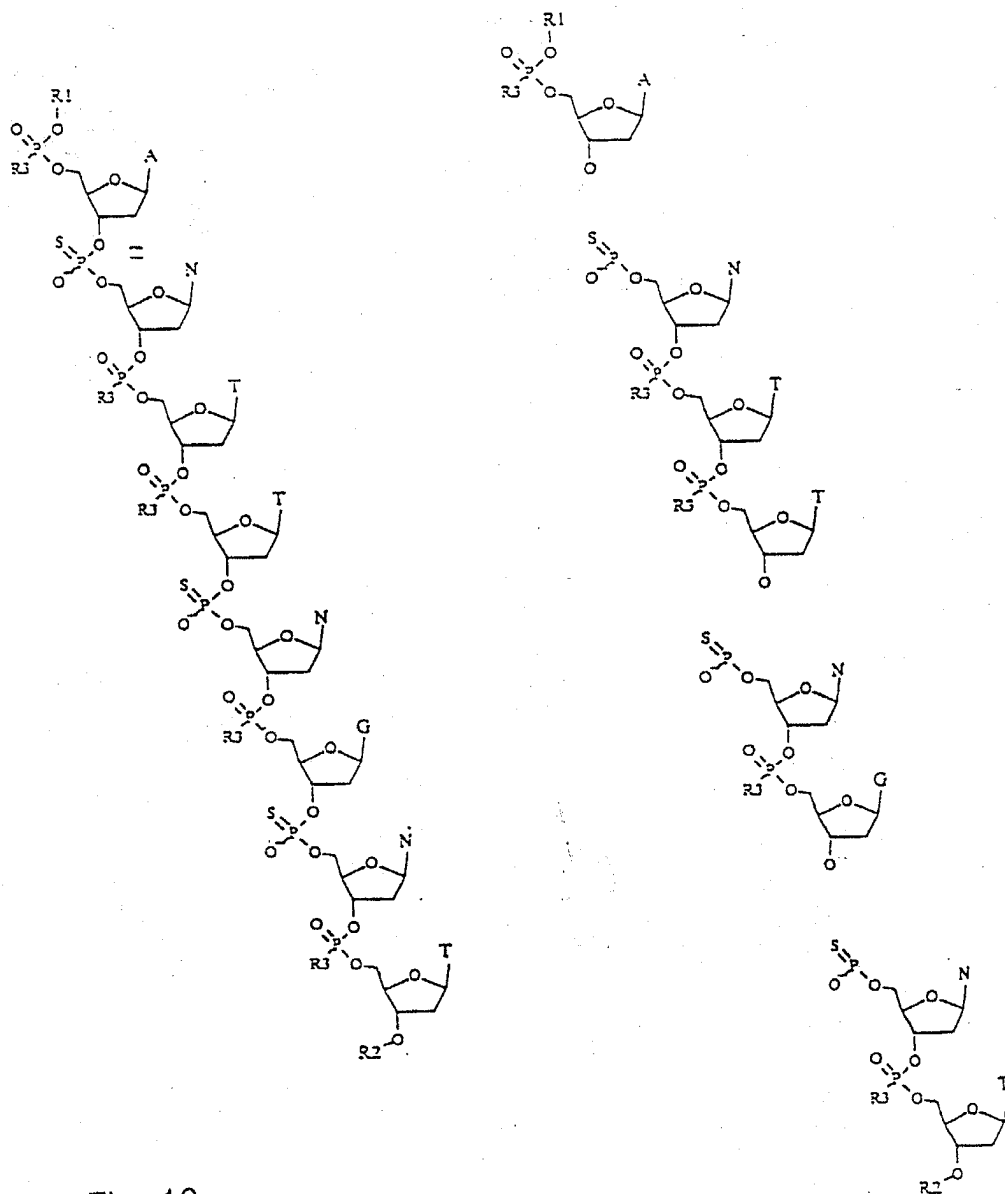


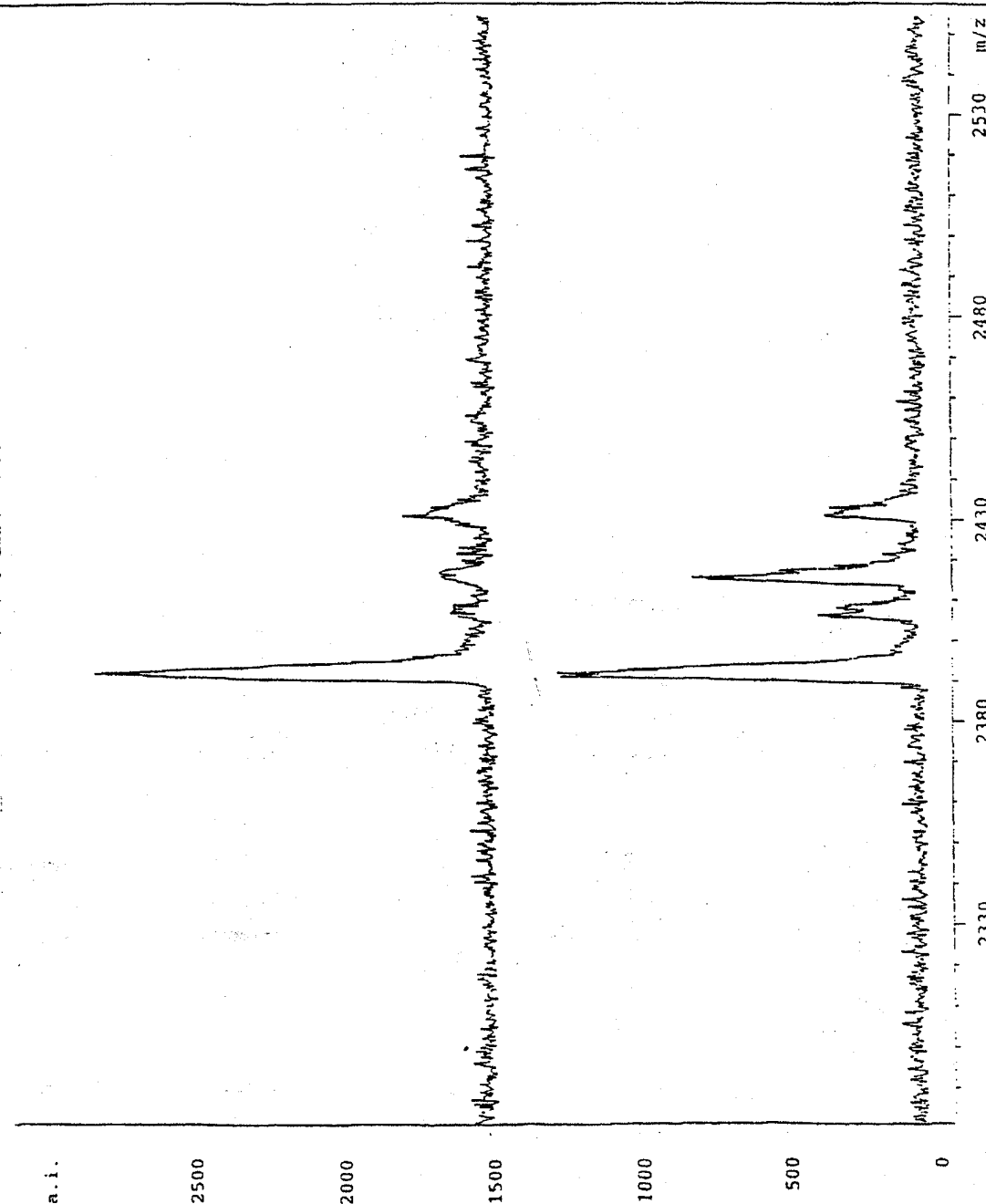
Fig. 10

PCT/EP98/07911

11/12

[illegible]

Figur 11



/export/home/data/ramon/041198/1Lin/pdata/1	rof	Wed Dec 2 11:11:58 1998
---	-----	-------------------------

12/12

Figur 12

